

Figure 1

2/7

SAMPLE # 8 (MA 1557 / FEMALE REFERENCE) – CONFIRMED MALE

MA1557/Female reference (46, XX) – confirmed male

zed bu: VY81	™ Array 380 (rev.	"					3.4.4.4.4.4.4.4.4.4.4.4.4.4.4.4.4.4.4.4
Tot None	Cyto Location	•		Ratio) CV(X)	Hean CorrE	(nh p(x)	
140 LNS	Hp tet	э	1.38	1	8,99 ++	0.001	The state of the s
276 918 3'	Xp22,3	3	6.91	1	1.00	0.005	
277 516 5'	Xp22.3	9	0.69	1	6.90 -	0.001	the great and a section of the second and the second
278 KAL	Xp22.3	3	0.67	1	6.95 -	160.0	The second section of the sect
279 DHD exon 45-51		3	0.69	1	1,09	9.686	The second secon
280 DXS588	Xp11.2	3	0.78	1	0.99	0.002	Plantage of the control of the contr
281 0X97 /32	Xq12	3	6.68	1	1.00	9.005	
282 RA 9'	Xq11-q12	3	0.65	1	6.39	0.001	20 1 1 2 2 3 3 3 3 4 4 5 5 5 6 5 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6
203 X157	Xq13.2	3	9.88	2	1.69	6.605	
294 OCRL1	Xq25	Э	0.67	1	6.99	0.091	
286 SRY	4p11.3	3	1.45	2	1,00 ++	0.901	Control of the contro
287 AZFa region	∀q11	3	1.21	8	6.99 ↔	0.91	The state of the first state of the state of
	Total spots	858					101111111111111111111111111111111111111
	Hear CV, CorrC			1.4	0.99		
	Ratio normalizer		0.75				
	Hodat mean, SD		1.005	0.974			

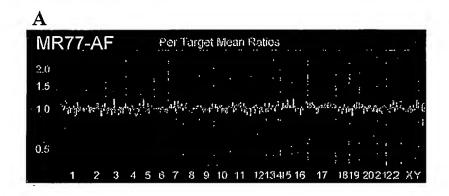
Figure 2

			1 vs		e 2 vs		3 vs		4 vs		ale 5 vs
		Fema	le ref.		ale ref.		ile ref.		le ref.		male ref.
A SAME OF THE SAME	SAMPLE	W2	BAFIL 1		75-AF			沙州(TD4	7-AFTANT	****	1769-AF-11
Name 1	CytoLoo*	JIR di	P<0.005	TIR	P<0.005 >	T/R+36	P<0.005	T/Rib	P<0.0059		F<0.005
D21S378	21q11.2	0.97	0	0.94	0	1.02	0	0.98	0	0.93	0
RUNX1(AML1)	21g22.3	0.91	0	0,93	0	0.88	0	0.96	0	0.89	0
DYRK1A	21022	0.95	0	0.93	0	0.89	0	0.85	0	1.04	0
D21S341,D21S342	2 21922.3	0.93	0	0.97	0	0.95	0	1.00	0	0.92	0
PCNT2(KEN)	21g tel	1.11	0	1.15	0	1.14	0	1.10	0	1.04	0
21QTEL08	21q tel	0.98	0	0.99	0	1.01	0	0.98	0	1.01	0
DXYS129	X/Yp tel	0.97	0	1.00	0	0,98	0	1.02	0	0.97	0
STS 3'	Xp22.3	- 3	gladile.	10.00	(SM32)	207	0		,此此 似的。	0.95	0
STS 5'	Xp22.3		Sich		. 1 1 3 3 7	168.00	13.		Find go	0.81	作關於學
KAL	Xp22.3	1100			1945		0	Burgar	111	0.86	0
DMD exon 45-51	Xp21.1		1	10.0	0.149.15	1,03	0		1	0.86	0
DXS580	Xp11.2	· . * 25	1.12	11 6 1	1.1	4- :41	912.5		45 t Mar.	0.95	0
DXS7132	Xq12	0.87	0	0.94	0	0.80	0	0.85	0	0.84	
AR 3'	Xq11-q12				W 12 20		0		基金1 20		
XIST	Xq13.2	0.85	0			1.12	11/23	0.80	1.1	0.87	0
OCRL1	Xq25		A CONTRACTOR		1 1 Danie	444	为外状态		1.1	1.00	0
EST CDY16c07	X/Yq tel	0.94	0	0.99	0	0.95		1.01	0	0.97	0
SRY	Yp11.3	1100	NOT THE	300	17	W. 75	35 1	3000	121	1.04	0
AZFa region	Yq11	3085		ORG .	1. ***	\$7.5	1 7	经的	45.1	1.02	

			Male 6 vs	Ma	le 7 vs	Ma	le 8 vs	Ma	e 9 vs	Ma	le 10 vs
		F	emale ref.	Fem	ale ref.	Fen	nale ref.	Fem	ale ref.	Fer	nale ref.
Charles In the Care	SAMPLE	HICH	SD48-AF TYPE	RH	80 AFW	N MA	1557-AF	*: LD 1	688 AF18	はがGJ	1759 AF
Named	GyloCocy	JIR	P<0.005	TIRE	P<0.005**	*T/R35	P<0.005	INT/RY	*P<0,001	灯/R被	P<0.001%
D215378	21q11.2	0.95	0	0.98	0	0.95	0	0.84	0	0.94	0
RUNX1(AML1)	21q22.3	0.95	0	0,90	0	1.03	0	0.95	0	0.91	0
OYRK1A	21q22	0.98	0	0.98	0	0.99	0	0.90	0	0.88	0
D21S341,D21S342	21q22.3	0.94	0	1.03	0	1.04	0	0.94	0	1.02	o I
PCNT2(KEN)	21q tel	1.08	0	1.04	0	1.02	0	1.09	o,	1.11	0 1
21QTEL08	21q tel	1.02		1.02	0	1.07	0	0.99	0	0.99	0 1
DXYS129	X/Yp tel	0.98	0	0.97	0	0.97	0	1.07	0	1.10	
STS 3'	Xp22.3			0.87	0	4 5	1		11.25	•	47 38 5 8 5
STS 5'	Xp22.3		3 3 1 A		7.21		1		4.31		1. 學校學問
KAL	Xp22.3		35.513.51	1 1	arete 3.1		1		15,17		
DMD exon 45-51	Xp21.1	التعيير	。 為前15前部		0		1		- 36		To Lead
DXS580	Xp11.2	0.80		0.84	0		1		Y subun		11/11/20
DXS7132	Xq12	0,83		0.92	0		1	:	3.21 (1.14)		
AR 3'	Xq11-q12		550年提出		HICEOTERIUS		1		就会。 1000年		
XIST	Xq13.2		少亿184期	0.85	0	5 P	1		September 1		以此人的 。
OCRL1	Xq25			ů.	mute		1	0.0440			maril proper
EST CDY16c07	X/Yq tel	0.98	0	0.94		1.03	0	0.9113	CONTRACTOR	1.02	FEER 24-12 TET
SRY	Yp11.3			312		1120	1		[版]] 翻		
AZFa region	Yq11	MAN CO	1913	松以供	1	3000000	<u> </u>	医学会会	1		

	Male 11 vs	1 611116	ile 1 vs	Female 2 vs		Female	J 75	Female 4 vs	
Fen	nale ref.	Fem	ale ref.	Ma	le ref.	Male			ale ref.
LE - 02-									861-AF3158
IT/R	P<0.005	ST/RS-0	P<0.005	T/R	P<0.001₹	**T/R	<0.001:		₹P<0.005
1.03	0	0.96	0	0.87	0	1.01	0		0
12.00	0	0,98	0	0.89	0	0.92	0		0
11133	0.05	0.91	0	0.92	0		0		0
1000	0.05	1.03	0	0.94	0	0,99	0		0
1178	0.01	1.04	0	1.02	0	1.03	0	1.03	0
	0.05	1.01	0	1.05	0	0.92	0	1.03	0
0.89	0	1.00	0	1.01	0	1.01	0	0.94	0
0.84	0	0.98	0	到1993	- 100	1000	15 '::		11/
1,6550	万十何思	0.99	0	343	315		- 1	1307	14.
1.54	0	0.95	0	550	1111		111.	1333	4.1
.,,		0.94	0	5 V36	13.1		1571.5	AIR	145211.325
14.77	0,51.7.	0.99	0	1.12	0		. 1.71	1.14	0
50.00	0	1.03	0	1.05	0	1.17	0	1.20	0
12	T. ALTERNATION	0.94	0	AV5Z	7.1	14.50	11/1	110	1, 3 14.
0.85	0	0.96	0	173258	17 10 W		12.77	242	(*)### [#
	1.	1.05	0		7 15 to 1	200	1/4	With D	. 1147. 11
	0	0.97	0	0.98	0	0.92	0	1.02	0
	3 276	1.15	0	9752	Will The		1 1		
1.19	0	1.09	0	2 443	744	9.74	1.537	10.7	机州南部
3 3	0.84 1.03 3.3 3.4 1.03 3.3 3.4 1.04 1.04 1.05 1.05 1.05 1.05 1.05 1.05 1.05 1.05	0	103 0 0,96	103	1.03	103	103	103	103

Figure 3



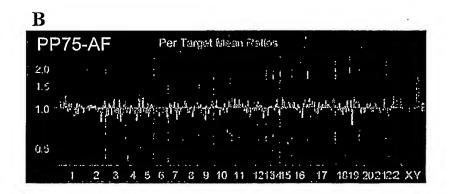


Figure 4

Cytoganelic	Locus Name	Male 1		Male 2 48, XX Re		Mono, X Female 1 AF 46, XX Reference		
Location	20000,2101(14	T/R.	P Value	T/R	P Value	T/R	P Value	
21q11.2	D21S378	0.95	0.5	0.98	0.4	O:98	0.5	
21q22.3	RUNX1(AML1)	1.03	0.5	0.80	0.1	O:68	0.1	
21922	DYRK1A	0.89	0.5	0.98	0.5	O:93	0.2	
21q22.3	D21S341,D21S342	1.04	0.5	1.03	0.5	0.92	0.0	
21q tel	PCNT2(KEN)	1.02	0.5	1.04	0,4	1.12	0.1	
21q tel	.21QTEL08	1.07	0.5	1.02 ⁻	0.5	1:.02	0.5	
Xp22.3	STS 3'	0.81	0.008	: 0,87	0.03	074	<0.001	
Xp22.3	STS 5'	2.0.69	0.001	20.67	<0.001	20165 to	<0.001	
Xp22.3	KAL	20.6204	0:001	3507	<0.001	0.71	<0:001	
Xp21.1	DMD exon 45-51	510 69	0:001:	0.80	0.009	61-0167 X	<0.001	
Xp11.2	DXS580	2307622	0.002	0.84	0.1	D.85	0,1	
Xq12	DXS7132	0,80:	0.005	0:92	0.1	0.88	0.1	
Xq11-q12	AR:3'	3.00 en sa	0,001	10.46	<0.001	10 A4	<0.001	
Xq13.2	XIST	0,81	0.005	0:85	0.1	03/D1782	0.002	
Xq25	OCRL1	0.672	0.001	20.773	0.001	10.58	<0,001	
Yp11.3	SRY	1.45	0:001	. 1.30	<0.001	1.15	0;1	
	AZFa region	1.21	0.01	1.45	<0.001	1.17	0:1	

Cytogenetic	Locus Name	1	ingle 2 AF/ Reference	Tris, 21 M 46, XX R		Tris. 21 Male 4 AF/ 46, XX Reference		
Location		T/R	P:Value	T/R	P. Value.	T/R	P Value	
21q11:2	D21S378	1.05	0.2	1,10	0.1	1.03	0:5	
21q22.3	RUNX1(AML1)	1.21	0.008	1.15	0:1	1.24:	0.5	
21q22	DYRK1A.	1.21	0.01	1.26 :	0.002	1,25	-0.05	
21q22:3	D21S341,D21S342	1.23	0,003	1,15	0.04	1.27	:0.05	
21q:tel	PCNT2(KEN)	1.35	<0.001	1.42 :	<0,001	: 1.38 .	0,01	
21q tel	21QTELO8	1.33	<0.001	1.22	0.005	1.27	0.05	
Xp22.3	STS 3/	1:06	0.3	0,82	0.008	0.84	0,5	
Xp22.3	ST'S-5'	0.93	0.2	0168	<0:001	70 70	0.005	
Xp22.3	KAL .	0.97	D.5	ar 07/14.34	<0.001	0.69	0.02	
Xp21.1	DMD exon 45-51	0.95	0.4	0.76	<0.001	V 0.58 - i .	600.0	
Xp11.2	DXS580:	4:00	0:5	0.85	0.1	0;80	.0,5	
Xq12	DXS7132	0.95	0.3	0.89	0:1	18.0.72 A	0.01	
Xq11-q12	AR'3'	0.82	0.008	2053	<0:001	0.55	0.001	
Xq13.2	XIST	.0.96.	0.3	0.81	0.009	0:85	0.6	
Xq25	OCRL1	1.14	0:1	0.0744	<0.001	7.0.7.12	0,005	
Yp11.3	SRY	1.16	0.1	1.50	<0.001	-:- 1.55	0.001	
Yq11	AZFa.region	1,11	0.1	1,56	<0.001	1.19	0.5	

Figure 5

Cytogenetic	Locus Name		r_5_AF/. Reference		6:AF/	Male:		Male 6 AF/ .46, XX Reference	
Location	Eucus-Ixeme	T/R	P.Value	T/R	P Value	TIR	P:Value	T/R	P value
21011.2	D21S378	0.94	0,5	.0.69	0.5	0,83.	0.5	0:82	0;1
21q22,3	RUNX1(AML1)	0.93	0.5	0.92	0.5	0:93	0.5	0:96	0,5
21022	DYRK1A-	-0,99	0.5	1.00	0.5	1.00	0.5	1.01	0.5
21022:3	D2(S341,D21S342	:0.96	0.5	0.95	0:5	0:91	0.6	0.94	0.5
21g tel	PCNT2(KEN)	1.09	0.5	1.09	0:5	1.10	0.5	1.09	0.5
21q tel	21QTEL08	1.06	0.5	1.13	0.5	1:15	0.5	1.14.	0.5
Xp22:3	STS:3'	:0.98	0.5	30,59	0.001	0.97	Q.Ģ	0.60	0.001
Xp22.3	STS:5'	0:89	0:5	280.68	0.001	0.95	0.5	0.680	0.001
Xp22.3	KAL	4:02	:0:5	0.74	0.001	1.01	0.5	0.07	0.001
Xp21.1	DMD:axon 45-51	1.01	0.5	40.59	0.001	0:83	0.5	Sabied No.	0,001
Xp11.2	DXS580	0:96	0.5	0.79	0:002	0.83	0.5	H 0.67	0,001
Xq12	DXS7132	0;94	0.5	0,82	0.005	0.78	0:02	3.0.874	0.001
Xq11-q12	AR 3'	1.02	0.5	5 60 64	0.001	0:93	0.5	0.65	'D.001
Xq13.2	XIST	0.95	0:5	2470.745	0:00:1	0.90	0.5	0.69	0.001
Xq25	OCRL1	102	0.5	0.62	0.001	0.98	0.5	0.696	0.001
Yp11.3	SRY	0.96	0.5	. Z.03	0.001	0.96	0.5	2.13	0.001
Yg11	AZFa region	1.04	0.5	1.29	0.01	·0.94	0.5	1.20	0.5

Cylogenotic	Locus Name	•	Female 3 AFI 46, XY Reference		le 3 AF/. Reference		le 4 AF/ Reference	Female 4 AF/ 46, XX Reference	
Location		T/R	P.Value	T/R	P Value :	T/R	P Value	T/R	P Value
21q11.2	D215378	0,85	0.5	0,92	0.5	Q,98°	0:5	0.94	0.5
21922.9	RUNX1(AML1)	. 0.90	0.5	0.91	0.5	0.93	0,5	,0,93	0.5
21q22.	DYRKIA	1:06	0,5	69,0	0.5	1.01	0,5	0.96	0.5
21922.3	D215341,D215342	0.92	0.5	.0,94	0,5	0.98	0.5	0.91	0.5
21q tel	PCNT2(KEN)	1:07	D:5	1.12	0.5	1.03	0.8	1.08	0:5
21q tel	21QTEL08	1.08	0.5	1.00	0.5	0.91	0.5	1.01	0.5
Xp22:3	575 3'	1,70	0.001	0.94	0,5	1.49	0,001	0.92	0.5
Xp22:3	STS 5'	1,42	0.001	0.96	0.5	1.34	0.001	0.99	0.5
Xp22.3	KAL	1.46	0.001	0.90	0.5	1.36	0.004	0.98	0:5
Xp21.1	DMD exon 45-51	1.37	0,002	0.95	0.5	1.44	0,001	0.93	0.5
Xp11.2	DXS580:	1.09	0.5	.0:93	0.5	1.07	0,5	0:93	0.5
Xq12.	DXS7132	0.94	0.5	0.80	0.5	1,07	0,5.	0.92	0.5
Xq11-q12	AR3'	: 1.52	0.001	0.94	0.5	1.37	.0.001	0:98	0:5
Xq13.2	XIST.	1.20	:0:5	0.92		1:12	0.5	0:94	0:5
Xq25	OCRE1	1.79	:0.001	0,92	.0.5	1.60	0.001	0.99	0:5
Yp11.3	SRY	1014825	0.001	1.08	0.5	0.66	0.001	1.12	0,5
Y.q11	AZFa region	0.862	0.001	1.09	0.5.	10.77	0.006	0.98	0,5

Figure 6

Cytogenetic	Locus Namo		TAFI	Male 7		Male 48, XX R	8 AFT elerence		Cells/	Male 46, XX R	9 AF/ eference	Male 9 48, XX R	
Location	EOEda Marilo	77H	P.Value	T/Ri	.P.Value.	T/R	.P.Vatue	TIR	. R.Value	T/R	, P Value	T/R	P Value
21q11.2	D21S378	0.97	0.4	1:05	0.2	0.94	0,2	1.01	0,5	0.98	0.5	1,03	0,4
21022.3	RUNX1(AML1)	0.91	0.2	0.94	0,1	0.93	0.2	0.99	0.5	D.98	0.2	0.80	0.1
21q22	DYRK1A	0.95	0.3	0.97	0,2	0.93	0,2	1.04	0.2	0.85	0.4	0.91	0.2
21022.3	D21S341,D21S342	0.93	0.2	0.99	0.5	0.97	0.4	1.0Ú	Q.5	1.00	0.5	0.91	0.1
21q tel	PCNT2(KEN)	1.11	0.1	0:9B	0.4	1,15	0.1	1.08	0.1	1,10	Q.2	1:11	0.1
21q tel	21QTEL08	98.0	0.5	1:02	0:4	0,99	0.4	1,01	0.5	0.99	0:3	1.02	0.4
Xp22.3	STS 3"	100772	0.003	20.00	<0.001	V0.62	<0.001	0.695	<0.001	140.73	<0.001	¥0.87	.<0,001
Хр22.3	6TB 5'	0.633	<0.001	0.86	<0.001	9 6 60 A	<0.001	(0 621)	<0.001	7.0850	<0,001	10,040	<0;001
Xp22.3	KAL	0.645	<0.0b1.	200	<0.001::	7 0 G3 1r	*0,001	0.65	<0.001	1 0.885	<0.001	± 1α815.⊷	<0.001
Xp21.1	OMD exon 45-51	100.14	0.001	0.69	<0.001	100	<0;001	2.004	<0:001	40.70	0.001	1 Q 58	< 0.001
Xp11.2	DXS580	376	0.001	0:81	<0.001	11072	.≪0,00€	5.77	<0,001	1071	0;001	0.80	0,001
Xq12	DXS7132	0.87	0,2	0.84	0:002	0:94	0.5	0.88	0.01	0.85	0:02	0.91	0.2
Xq11-q12	AR 3'	\$20.38 (C	~0.001.	1367	×0:00i	20 44 S	<pre><pre>p:001</pre></pre>	000	₹0.001	0.58	<0.001	20.64	<0.001
Xq13.2	XIST	0.85	0.04	1.637	. ≺0.c01	1075	<0.001	N674 E	<0.001	0.80	0.003	0.75	<0.001
Xq25	OCRL1	260.67	X0.001	13 T 10 Z	<0.001	0.58	<0.001	77.153.17	40.001	2000	0.001.	P D 58	<0.001
Yp11.3	SRY	1.49	1 kg.001		r.<0.001∓	1.65	4 < 0.001	1.73	:<0.001	1.35	0.004	1.59	<0.001.
Yq.11	AZFa region		T 0:001	_	<0.001#	1.78	<0.001	1.83	: <0.00†	1,43	<0.001	1,61	<0,001

Cytogenetic	***		p AF/		o Celle/· '	Male 1		Male 1	
Location	Locus Name	46, XX R	eference	48, XX R	efatence	48, XX-R		46, XX R	
Locaton		. T/R	P.Valua	T/R	P Value	. T/R	P Value	T/R.	P Vetue
21011.2	0215378	0.95	0.2	1.02	0,5	1:02	0.5	0.91	0.3
21022,3	RUNX1(AML1)	0.95	0.2	1.02	0.3	0.88	0.2	1.05	0.4
21q22	DYRK1A	0.98	0.3	1.08	0.1	0.89	0.3	1,09	0.3
21022.3	D21S341,D21S342	0:94	0.2	0,99	0,6	0.95	0.5	D.98	0.6
21q tel	PCNT2(KEN)	1,08	0.1	0.98	0.2	1.14	0.1	1.12	0.1
21g tel	21QTEL08	1.02	0.5	1,03	0.4	1.01	0.5	1.09	0.4
Xp22.3	STS 3*	E 0.67	<0,001	0.71	<0.001	0.77	0.01	0.65	<0,001
Xp22.3	STS 5	17.64	<0.001	0.85	<0.001	0.63	<0.001	0.86	<0.001
Xo22:3	KAL	1014	<0.7001	⇒ 0.65°.	<0.001			⇒ 0.02 °	100.0>
Xp21.1	DMD exon 45-51	0 683	< 0.001	0.89	<0.001	1,03	0.50	0.027	<0.001
Xp11.2	DXS58U	0.80.	< 0.001) b:75	<0,001	0.77	0,004	10/10/21	<0.001
Xq12	DXS7132	0.83	0.003	10.79	<0.001	0.80	0.10	A # (4 %)	<0.001
Xq11-q12	AR 3'	20,50	<0.001	0.60	<0.001			0.60	<0.001
Xq13.2	XIST	0.74	<0,001	7, 0.487F	<0.001	107	0.004	0.69	<0,001
Xq25	OCRL1	20,59	<0.001:	0.60	<0.001	0.68	<0:00t	0.80	<0.001
Yp11.3	SRY	-1.57	<0.0011	1.48	<0.001	1.74	₹0.001 ·	1.37	<0.001
Yq11	AZFa region	1.49	<0:001	1.55	r 0.001F	1.62	<0:001	1.48	<0.001

Cytogenetic	Locus Namo		le 5 AF/ Réference		5 Cells) eference,		le B'AF/ Reference	Female 6 Cells/ 46; XX Reference	
Location		T/R	P Value	· T/R	P Value:	. 3/R	P-Value	T/R	P.Value
21q11,2	021\$378	1.10	0.2	1:08	0.2	8e,b	0.3	1.02	0.4
21922.3	RUNX1(AML1)	1.09	0,2	0.98	0.4	. Q.BB	0:4	-0.98	0.3
21q22	DYRK1A	1.12	0.2	1,05	0.3	0.91	0.1	1,02	0,2
21q22.3	D21S341,D21S342	0.98	0.4	0,96	. 0.4	1.03	Q.5 °	1,00	0.5
21q tet	PCNT2(KEN)	1:00	0.5	1:03	.0.4	1.04	0,3	1.00	0,5
21q tel	21QTELOS	1,12	0.2	1.05	0.2	1,01	0.4	1.01	0.4
Xp22.3	STS 3'	1,08	0.3	1:00	0.4	0.98	0:5	1:04	0,1
Xp22.8	STS 5	0,94	0.3	0,88	0.1	0.99	0.5	1.01	0.5
Xp22.3	KÁL	0.87	Q.2	10.70	0.02	0.95	0.4	0.99	0.4
Xp21.1	DMD exon 45-51	1.14	0,1	1.03	0.5	0.94	0.1	1.05	0.2
Xp11.2	DXS580	0.92	0,2	0.80	0,2	0.98	0,4	1.06	0.04
Xq12	DX57132	1.05	0.3	1.05	0.3	1.03	0.3	0.99	0.4
Xq11-q12	AR 3'	0.94	0,3	0.68	0.1	0.94	0.2	88.0	<0.001
Xq13.2	XIST	0.94	0.3	1.02	0.5	0,96	0.2	1.07	0.1
Xq25	OCRL1	0.89	0.2	0.84	0.1	1.05	0.5	0.98	0.5
Yp11/3	SRY	0.94	0.4	1,02	0.5	1,15	0.01	0.98	0.6
Yq11	AZFa region	0.94	0,3	1,01	0.5	1,09	0.1	1.08	0.03

Figure 7